

**Amendments to the Drawings**

The attached sheets of drawings include changes to Figure 1. These sheets, which include Figure 1, replace the original sheets including Figure 1. In Figure 1, SEQ ID NOs: have been added and the description of the abbreviations has been removed.

Attachment: Replacement sheets

Annotated Sheets Showing Changes



Annotated Sheet Showing Changes  
1/12

Ca	23				S AFNTQAAP	31
Cs	1				G	1
Bp	1	RTITNNEMGN HSGYDYELWK DYGNT-SMTL NNGGAFSAGW	N--NIGNA	45		
Ca	32	KTITSNEIGV NNGYDYELWK DYGNT-SMTL KNGGAFSCQW	S--NIGNA	76		
Cs	2	RIIYDNETGT HGGYDYELWK DYGNT-IMEL NDGGTFSCQW	S--NIGNA	46		
Rf	1	SAADQQTRGN VGGYDYEMWN QNGQQQASMN PGAGSFTCSW	S--NIENF	46		
Tr2	1	QTIQPGTGY NNGYFYSYWN DGHGGVTTYTN GPGGQFSVNW	S--NSGNF	45		
Tv	1	QTIQPGTGF NNGYFYSYWN DGHGGVTTYTN GPGGQFSVNW	S--NSGNF	45		
Th	1	QTIGPGTGY SNGYFYSYWN DGHAGVTTYTN GGGGSFTVNW	S--NSGNF	45		
Sc	1	SGTPSSTGT DGGYFYSWWT DGAGDATYQN NGGGSYTLTW	SG--NNGNL	46		
An	1	S AGINYVQNYN GNLGDFTY-D ESAGTFSMYW	EDGVSSDF	38		
AT	1	S AGINYVQNYN QNLGDFTY-D ESAGTFSMYW	EDGVSSDF	38		
Tr1	1	ASINYDQNYQ TGG-QVSY- PSNTGFSVNW	N--TQDDF	34		
Ss	1	ATTIT-NETGY D-GMYYSFWT DGGGSVSMTL NGGGSYSTRW	T--NCGNF	45		
SlB	1	DTVVTNQEQT NNGYFYSFWT DSQGTVSMNM GSGGQYSTSW	R--NTGNF	47		
SlC	1	ATTITTNQGT D-GMYYSFWT DGGGSVSMTL NGGGSYSTQW	T--NCGNF	46		
Tf	1	AVTSNETGY HDGYFYSFWT DAPGTVSMEL GPGGNYSTSW	R--NTGNF	45		
Bc	1	ASTDYWQNWT DGGGIVNAVN GSGGNYSVNW	S--NTGNF	36		
Bs	1	ASTDYWQNWT DGGGIVNAVN GSGGNYSVNW	S--NTGNF	36		

Bp	46	LFRK-GKKFD ST-RTHHQLG NISINYNASF N-PSGNSYLC	VYGWTQSP	90		
Ca	77	LFRK-GKKFN DT-QTYKQLG NISVNYNCNY Q-PYGNSYLC	VYGWTSSP	121		
Cs	47	LFRK-GRKFN SD-KTYQELG DIVVEYGCDY N-PNGNSYLC	VYGWTRNF	91		
Rf	47	LARM-GKNYD SQKKNYKAFG NIVLTYDVEY T-PRGNSYMC	VYGWTRNP	92		
Tr2	46	VGGK-GWQPG TKNKV-----	---INFS-GS YNPNGNSYLS	VYGWSRNP	83	
Tv	46	VGGK-GWQPG TKNKV-----	---INFS-GS YNPNGNSYLS	VYGWSRNP	83	
Th	46	VGGK-GWQPG TKNKV-----	---INFS-GS YNPNGNSYLS	IYGWSRNP	83	
Sc	47	VGGK-GWNPG AASRS-----	---ISYS-GT YQPNGNSYLS	VYGWTRSS	84	
An	39	VVGL-GWTTG SSNA-----	---ITYSAEY SASGSSSYLA	VYGWVNYP	76	
At	39	VVGLGGWTTG SSNA-----	---ITYSAEY SASGSASYLA	VYGWVNYP	77	
Tr1	35	VVGW-GWTTG SSAP-----	---INFGGSF SVNSGTGLLS	VYGWSTNP	72	
Ss	46	VAGK-GWANG GR-RT-----	---VRYT-GW FNPSGNGYGC	LYGWTSNP	82	
SlB	48	VAGK-GWANG GR-RT-----	---VQYS-GS FNPSGNAYLA	LYGWTSNP	84	
SlC	47	VAGK-GWSTG DGN-----	---VRYN-GY FNPVGNGYGC	LYGWTSNP	82	
Tf	46	VAGK-GWATG GR-RT-----	---VTYS-AS FNPSGNAYLT	LYGWTRNP	82	
Bc	37	VVGK-GWTTG SPFRT-----	---INYNAGV WAPNGNGYLT	LYGWTRSP	75	
Bs	37	VVGK-GWTTG SPFRT-----	---INYNAGV WAPNGNGYLT	LYGWTRSP	75	

FIGURE 1

Annotated Sheet Showing Changes  
2/12

Bp	91	LA <u>EYY</u> IVDSW	GT <u>YR</u> - <u>PT</u> --G	AYK <u>G</u> SFYADG	GT <u>Y</u> DIYETTR	VN <u>QPS</u> IIG	135
Ca	122	LVE <u>YY</u> IVDSW	GSWR <u>PP</u> --GG	TSK <u>G</u> TITVDG	GI <u>Y</u> DIYETTR	IN <u>QPS</u> IQG	167
Cs	92	LVE <u>YY</u> IVESW	GSWR <u>PP</u> --GA	TPK <u>G</u> TITQWMAGT <u>Y</u> EIYETTR	VN <u>QPS</u> IDG	138	
Rf	93	LME <u>YY</u> IVEGW	GDWR <u>PP</u> GN <u>D</u> G	EVK <u>G</u> TVSANG	NT <u>Y</u> DIRKTMR	YN <u>QPS</u> LDG	140
Tr2	84	LI <u>EYY</u> IVENF	GT <u>YN</u> - <u>PST</u> GA	TKL <u>G</u> EVTS <u>D</u> G	SV <u>Y</u> DIYRTQR	VN <u>QPS</u> IIG	130
Tv	84	LI <u>EYY</u> IVENF	GT <u>YN</u> - <u>PST</u> GA	TKL <u>G</u> EVTS <u>D</u> G	SV <u>Y</u> DIYRTQR	VN <u>QPS</u> IIG	130
Th	84	LI <u>EYY</u> IVENF	GT <u>YN</u> - <u>PST</u> GA	TKL <u>G</u> EVTS <u>D</u> G	SV <u>Y</u> DIYRTQR	VN <u>QPS</u> IIG	130
Sc	85	LI <u>EYY</u> IVESY	GSYD- <u>PSS</u> AA	SHK <u>G</u> SVTCNG	AT <u>Y</u> DILSTWR	YN <u>APS</u> IDG	131
An	77	GA <u>EYY</u> IVEDY	GDYN- <u>PCSS</u> A	TSL <u>G</u> TVYS <u>D</u> G	ST <u>Y</u> QVCTDTR	IN <u>EPS</u> ITG	123
At	78	QA <u>EYY</u> IVEDY	GDYN- <u>PCSS</u> A	TSL <u>G</u> TVYS <u>D</u> G	ST <u>Y</u> QVCTDTR	IN <u>EPS</u> ITG	124
Tr1	73	LVE <u>YY</u> IMEDN	HNY-- <u>PAQ</u> -G	TVK <u>G</u> TVTS <u>D</u> G	AT <u>Y</u> TIWENTR	VN <u>EPS</u> IQG	117
Ss	83	LVE <u>YY</u> IVDNW	GSYR- <u>PT</u> --G	ETR <u>G</u> TVHS <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYKTTR	YN <u>APS</u> VEA	127
SlB	85	LVE <u>YY</u> IVDNW	GT <u>YR</u> - <u>PT</u> --G	EYK <u>G</u> TVTS <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYKTTR	VN <u>KPS</u> VEG	129
SlC	83	LVE <u>YY</u> IVDNW	GSYR- <u>PT</u> --G	TYK <u>G</u> TVSS <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYQTTR	YN <u>APS</u> VEG	127
Tf	83	LVE <u>YY</u> IVESW	GT <u>YR</u> - <u>PT</u> --G	TYM <u>G</u> TVTT <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYKTTR	YN <u>APS</u> IEG	127
Bc	76	LI <u>EYY</u> VVDSW	GT <u>YR</u> - <u>PT</u> --G	TYK <u>G</u> TVKS <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYTTTR	YN <u>APS</u> IDG	120
Bs	76	LI <u>EYY</u> VVDSW	GT <u>YR</u> - <u>PT</u> --G	TYK <u>G</u> TVKS <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYTTTR	YN <u>APS</u> IDG	120

Bp	136	-IAT <u>F</u> KQYWS	VRQTKRTS--	-----GTVS	VSAHFRKWES	LGMPM-GK	174
Ca	168	-NTT <u>F</u> KQYWS	VRRTKRTS--	-----GTIS	VSKHFAAWES	KGMPL-GK	206
Cs	139	-TAT <u>F</u> QYWS	VRTSKRTS--	-----GTIS	VTEHFKQWER	MGMRM-GK	177
Rf	141	-TAT <u>F</u> PQYWS	VRQTS <u>G</u> SANN	QTN <u>Y</u> MKGTID	VSKHFD <u>A</u> WSA	AGLDMSGT	187
Tr2	131	-TAT <u>F</u> YQYWS	VRRNHR-S-S	-----GSVN	TANHFN <u>A</u> WAQ	QGLTL-GT	168
Tv	131	-TAT <u>F</u> YQYWS	VRRTHR-S-S	-----GSVN	TANHFN <u>A</u> WAQ	QGLTL-GT	168
Th	131	-TAT <u>F</u> YQYWS	VRRNHR-S-S	-----GSVN	TANHFN <u>A</u> WAS	HGLTL-GT	168
Sc	132	-TQT <u>F</u> EQFWS	VRNPKKAPGG	SIS---GTVD	VQCHFD <u>A</u> WKG	LGMNLGSE	175
An	124	-TST <u>F</u> TQYFS	VRESTRTS--	-----GTVT	VANHFN <u>F</u> WAQ	HGFN-SD	162
At	125	-TST <u>F</u> TQYFS	VRESTRTS--	-----GTVT	VANHFN <u>F</u> WAH	HGFHN-SD	163
Tr1	118	-TAT <u>F</u> NQYIS	VRNSPR-T-S	-----GTVT	VQNHFN- <u>W</u> AS	LGLHLGQM	155
Ss	128	-PAA <u>F</u> DQYWS	VRQSKVT--S	-----GTIT	TGNHFD <u>A</u> WAR	AGNMGNF	168
SlB	130	TR-T <u>F</u> DQYWS	VRQSKR-TG-	-----GTIT	TGNHFD <u>A</u> WAR	AGMPLGNF	168
SlC	128	TK-T <u>F</u> QYWS	VRQSKVTSGS	-----GTIT	TGNHFD <u>A</u> WAR	AGNMGQF	168
Tf	128	TR-T <u>F</u> DQYWS	VRQSKRTS--	-----GTIT	AGNHFD <u>A</u> WAR	HGMHLGTH	166
Bc	121	DRTT <u>F</u> TQYWS	VRQSKRPTGS	N-----ATIT	FTNHVNAWKS	HGMNLGSN	163
Bs	121	DRTT <u>F</u> TQYWS	VRQSKRPTGS	N-----ATIT	FSNHVNAWKS	HGMNLGSN	163

FIGURE 1 CONT'D

Annotated Sheet Showing Changes  
3/12

Bp	175	MYETAFTVEG	YQSSGSANVM	TNQLFIGN	201	<u>SEQ ID NO:4</u>
Ca	207	MHETAFNIEG	YQSSGKADVN	SMSINIGK	233	<u>SEQ ID NO:6</u>
Cs	178	MYEVALTVEG	YQSSGYANVY	KNEIRIGANP....		<u>SEQ ID NO:7</u>
Rf	188	LYEVSLNIEG	YRSNGSANVK	SVSV	211	<u>SEQ ID NO:8</u>
Tr2	169	MDYQIVAVEG	YFSSGSASI-	TVS	190	<u>SEQ ID NO:16</u>
Tv	169	MDYQIVAVEG	YFSSGSASI-	TVS	190	<u>SEQ ID NO:17</u>
Th	169	MDYQIVAVEG	YFSSGSASI-	TVS	190	<u>SEQ ID NO:14</u>
Sc	176	HNYQIVATEG	YQSSGTATI-	TVT	197	<u>SEQ ID NO:9</u>
An	163	FNYQVMAVEA	WSGAGSASV-	TISS	184	<u>SEQ ID NO:1</u>
At	164	FNYQVVAVEA	WSGAGSAAV-	TISS	185	<u>SEQ ID NO:2</u>
Tr1	157	MNYQVVAVEG	WGGSGSASQ-	SVSN	178	<u>SEQ ID NO:15</u>
Ss	167	RYYMINATEG	YQSSGSSTI-	TVSG	189	<u>SEQ ID NO:12</u>
SlB	169	SYYMINATEG	YQSSGTSSI-	NVGG.....		<u>SEQ ID NO:10</u>
SlC	169	RYYMINATEG	YQSSGSSNI-	TVSG	191	<u>SEQ ID NO:11</u>
Tf	167	D-YMIMATEG	YQSSGSSNVT	LGTS.....		<u>SEQ ID NO:13</u>
Bc	164	WAYQVMATEG	YQSSGSSNV-	TVW	185	<u>SEQ ID NO:3</u>
Bs	164	WAYQVMATEG	YQSSGSSNV-	TVW	185	<u>SEQ ID NO:5</u>

<del>Bp</del>	<del>Bacillus pumilus</del>
<del>Ca</del>	<del>Clostridium acetobutylicum P262 XynB</del>
<del>Cs</del>	<del>Clostridium stercoararium xynA</del>
<del>Rf</del>	<del>Ruminococcus flavefaciens</del>
<del>Tr2</del>	<del>Trichoderma reesei XYN II</del>
<del>Tv</del>	<del>Trichoderma viride</del>
<del>Th</del>	<del>Trichoderma harzianum</del>
<del>Sc</del>	<del>Schizophyllum commune Xylanase A</del>
<del>An</del>	<del>Aspergillus niger, var. awamori</del>
<del>At</del>	<del>Aspergillus tubigenensis</del>
<del>Tr1</del>	<del>Trichoderma reesei XYN I</del>
<del>Ss</del>	<del>Streptomyces sp. 36a</del>
<del>SlB</del>	<del>Streptomyces lividans Xln B</del>
<del>SlC</del>	<del>Streptomyces lividans Xln C</del>
<del>Tf</del>	<del>Thermomonospora fusca TfxA</del>
<del>Bc</del>	<del>Bacillus circulans</del>
<del>Bs</del>	<del>Bacillus subtilis</del>

FIGURE 1 CONT'D

## Replacement Sheet

1/12

Ca	23					S	AFNTQAAP	31
Cs	1						G	1
Bp	1	RTITNNEMGN	HSGYDYELWK	DYGNT-SMTL	NNGGAFSAGW	N--NIGNA		45
Ca	32	KTITSNEIGV	NGGYDYELWK	DYGNT-SMTL	KNNGAFSCQW	S--NIGNA		76
Cs	2	RIIYDNETGT	HGGYDYELWK	DYGNT-IMEL	NDGGTFSCQW	S--NIGNA		46
Rf	1	SAADQQTRGN	VGGYDYEMWN	QNGQQQASMN	PGAGSFTCSW	S--NIENF		46
Tr2	1	QTIQPGTGY	NNGYFYSYWN	DGHGGVITYN	GPGGQFSVNW	S--NSGNF		45
Tv	1	QTIQPGTGF	NNGYFYSYWN	DGHGGVITYN	GPGGQFSVNW	S--NSGNF		45
Th	1	QTIGPGTGY	SNGYFYSYWN	DGHAGVITYN	GGGGSFTVNW	S--NSGNF		45
Sc	1	SGTPSSTGT	DGGYFYSWWT	DGAGDATYQN	NGGGSYTLTW	SG--NNGNL		46
An	1		S	AGINYVQNYN	GNLGDFTY-D	ESAGTFSMYW	EDGVSSDF	38
AT	1		S	AGINYVQNYN	QNLGDFTY-D	ESAGTFSMYW	EDGVSSDF	38
Tr1	1		ASINYDQNYQ	TGG-QVSY-	PSNTGFSVNW	N--TQDDF		34
Ss	1	ATTIT-NETGY	D-GMYYSFWT	DGGGSVSMTL	NGGGSYSTRW	T--NCGNF		45
SlB	1	DTVVTTNQEGT	NNGYFYSFWT	DSQGTVSMNM	GSGGQYSTSW	R--NTGNF		47
SlC	1	ATTITTNQTGT	D-GMYYSFWT	DGGGSVSMTL	NGGGSYSTQW	T--NCGNF		46
Tf	1	AVTSNETGY	HDGYFYSFWT	DAPGTVSMEL	GPGGNYSTSW	R--NTGNF		45
Bc	1		ASTDYWQNWT	DGGGIVNAVN	GSGGNYSVNW	S--NTGNF		36
Bs	1		ASTDYWQNWT	DGGGIVNAVN	GSGGNYSVNW	S--NTGNF		36
Bp	46	LFRK-GKKFD	ST-RTHHQLG	NISINYNASF	N-PSGNSYLC	VYGWTQSP		90
Ca	77	LFRK-GKKFN	DT-QTYKQLG	NISVNYNCNY	Q-PYGNSYLC	VYGWTSSP		121
Cs	47	LFRK-GRKFN	SD-KTYQELG	DIVVEYGCDY	N-PNGNSYLC	VYGWTRNF		91
Rf	47	LARM-GKNYD	SQKKNYKAFG	NIVLTYDVEY	T-PRGNSYMC	VYGWTRNP		92
Tr2	46	VGGK-GWQPG	TKNKV-----	---INFS-GS	YNPNGNSYLS	VYGWSRNP		83
Tv	46	VGGK-GWQPG	TKNKV-----	---INFS-GS	YNPNGNSYLS	VYGWSRNP		83
Th	46	VGGK-GWQPG	TKNKV-----	---INFS-GS	YNPNGNSYLS	IYGWSRNP		83
Sc	47	VGGK-GWNP	AASRS-----	---ISYS-GT	YQPNGNSYLS	VYGWTRSS		84
An	39	VVGL-GWTTG	SSNA-----	---ITYSAEY	SASGSSSYLA	VYGWVNYP		76
At	39	VVGLGGWTTG	SSNA-----	---ITYSAEY	SASGSASYLA	VYGWVNYP		77
Tr1	35	VVGW-GWTTG	SSAP-----	---INFGGSF	SVNSGTGLLS	VYGWSTNP		72
Ss	46	VAGK-GWANG	GR-RT-----	---VRYT-GW	FNPSGNGYGC	LYGWTSNP		82
SlB	48	VAGK-GWANG	GR-RT-----	---VQYS-GS	FNPSGNAYLA	LYGWTSNP		84
SlC	47	VAGK-GWSTG	DGN-----	---VRYN-GY	FNPGVNGYGC	LYGWTSNP		82
Tf	46	VAGK-GWATG	GR-RT-----	---VTYS-AS	FNPSGNAYLT	LYGWTRNP		82
Bc	37	VVGK-GWTTG	SPFRT-----	---INYNAGV	WAPNGNGYLT	LYGWTRSP		75
Bs	37	VVGK-GWTTG	SPFRT-----	---INYNAGV	WAPNGNGYLT	LYGWTRSP		75

FIGURE 1

## Replacement Sheet

2/12

Bp	91	<u>LA</u> <u>EYY</u> I <del>V</del> DSW	GT <u>Y</u> R- <u>P</u> T--G	AYK <u>G</u> SFYADG	GT <u>Y</u> DIYET <u>T</u> R	<u>V</u> N <u>Q</u> <u>P</u> S <u>I</u> I <u>G</u>	135
Ca	122	<u>L</u> <u>V</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> DSW	GSWR <u>P</u> P--GG	TSK <u>G</u> TITVDG	GI <u>Y</u> DIYET <u>T</u> R	<u>I</u> N <u>Q</u> <u>P</u> S <u>I</u> Q <u>G</u>	167
Cs	92	<u>L</u> <u>V</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> ESW	GSWR <u>P</u> P--GA	TPK <u>G</u> TITQWMAGT <u>Y</u> EIYET <u>T</u> R		<u>V</u> N <u>Q</u> <u>P</u> S <u>I</u> D <u>G</u>	138
Rf	93	<u>L</u> <u>M</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> EGW	GDWR <u>P</u> P <u>G</u> NDG	EVK <u>G</u> TVSANG	NT <u>Y</u> DIRKT <u>M</u> R	<u>Y</u> N <u>Q</u> <u>P</u> S <u>L</u> D <u>G</u>	140
Tr2	84	<u>L</u> <u>I</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> ENF	GT <u>Y</u> N- <u>P</u> STGA	TKL <u>G</u> EVTS <u>D</u> G	SV <u>Y</u> DIYRT <u>Q</u> R	<u>V</u> N <u>Q</u> <u>P</u> S <u>I</u> I <u>G</u>	130
Tv	84	<u>L</u> <u>I</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> ENF	GT <u>Y</u> N- <u>P</u> STGA	TKL <u>G</u> EVTS <u>D</u> G	SV <u>Y</u> DIYRT <u>Q</u> R	<u>V</u> N <u>Q</u> <u>P</u> S <u>I</u> I <u>G</u>	130
Th	84	<u>L</u> <u>I</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> ENF	GT <u>Y</u> N- <u>P</u> STGA	TKL <u>G</u> EVTS <u>D</u> G	SV <u>Y</u> DIYRT <u>Q</u> R	<u>V</u> N <u>Q</u> <u>P</u> S <u>I</u> I <u>G</u>	130
Sc	85	<u>L</u> <u>I</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> ESY	GS <u>Y</u> D- <u>P</u> SSAA	SHK <u>G</u> SVTCNG	AT <u>Y</u> DILST <u>W</u> R	<u>Y</u> N <u>A</u> P <u>S</u> I <u>D</u> G	131
An	77	<u>G</u> <u>A</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> EDY	GD <u>Y</u> N- <u>P</u> CSSA	TSL <u>G</u> TVYSDG	ST <u>Y</u> QVCTD <u>T</u> R	<u>I</u> N <u>E</u> P <u>S</u> I <u>T</u> G	123
At	78	<u>Q</u> <u>A</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> EDY	GD <u>Y</u> N- <u>P</u> CSSA	TSL <u>G</u> TVYSDG	ST <u>Y</u> QVCTD <u>T</u> R	<u>I</u> N <u>E</u> P <u>S</u> I <u>T</u> G	124
Tr1	73	<u>L</u> <u>V</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>M</del> EDN	H <u>N</u> Y-- <u>P</u> AQ-G	TVK <u>G</u> TVTS <u>D</u> G	AT <u>Y</u> TIWENT <u>R</u>	<u>V</u> N <u>E</u> P <u>S</u> I <u>Q</u> G	117
Ss	83	<u>L</u> <u>V</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> DNW	GS <u>Y</u> R- <u>P</u> T--G	ETR <u>G</u> TVHSDG	GT <u>Y</u> DIYKT <u>T</u> R	<u>Y</u> N <u>A</u> P <u>S</u> VEA	127
SlB	85	<u>L</u> <u>V</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> DNW	GT <u>Y</u> R- <u>P</u> T--G	EYK <u>G</u> TVTS <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYKT <u>T</u> R	<u>V</u> N <u>K</u> P <u>S</u> VEG	129
SlC	83	<u>L</u> <u>V</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> DNW	GS <u>Y</u> R- <u>P</u> T--G	TYK <u>G</u> TVSS <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYQT <u>T</u> R	<u>Y</u> N <u>A</u> P <u>S</u> VEG	127
Tf	83	<u>L</u> <u>V</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> I <del>V</del> ESW	GT <u>Y</u> R- <u>P</u> T--G	TYM <u>G</u> TVTT <u>D</u> G	GT <u>Y</u> DIYKT <u>T</u> R	<u>Y</u> N <u>A</u> P <u>S</u> IEG	127
Bc	76	<u>L</u> <u>I</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> V <del>V</del> DSW	GT <u>Y</u> R- <u>P</u> T--G	TYK <u>G</u> TVKSDG	GT <u>Y</u> DIYTT <u>T</u> R	<u>Y</u> N <u>A</u> P <u>S</u> I <u>D</u> G	120
Bs	76	<u>L</u> <u>I</u> <u>E</u> <u>Y</u> <u>Y</u> V <del>V</del> DSW	GT <u>Y</u> R- <u>P</u> T--G	TYK <u>G</u> TVKSDG	GT <u>Y</u> DIYTT <u>T</u> R	<u>Y</u> N <u>A</u> P <u>S</u> I <u>D</u> G	120

Bp	136	-IAT <u>F</u> KQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQTKRTS--	-----GT <u>V</u> S	VSA <u>H</u> FRK <u>W</u> ES	L <u>G</u> M <u>P</u> M-GK	174
Ca	168	-NTT <u>F</u> KQY <u>W</u> S	<u>V</u> RRTKRTS--	-----GT <u>I</u> S	VSK <u>H</u> FAA <u>W</u> ES	K <u>G</u> M <u>P</u> L-GK	206
Cs	139	-TAT <u>F</u> QQY <u>W</u> S	<u>V</u> RTSKRTS--	-----GT <u>I</u> S	VTE <u>H</u> FKQ <u>W</u> ER	M <u>G</u> M <u>R</u> M-GK	177
Rf	141	-TAT <u>F</u> PQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQTSGSANN	QT <u>N</u> YMKGTID	VSK <u>H</u> FD <u>A</u> WSA	A <u>G</u> L <u>D</u> MSGT	187
Tr2	131	-TAT <u>F</u> YQY <u>W</u> S	<u>V</u> RRNHR-S-S	-----GS <u>V</u> N	TAN <u>H</u> FN <u>A</u> WAQ	Q <u>G</u> LTL-GT	168
Tv	131	-TAT <u>F</u> YQY <u>W</u> S	<u>V</u> RRTHR-S-S	-----GS <u>V</u> N	TAN <u>H</u> FN <u>A</u> WAQ	Q <u>G</u> LTL-GT	168
Th	131	-TAT <u>F</u> YQY <u>W</u> S	<u>V</u> RRNHR-S-S	-----GS <u>V</u> N	TAN <u>H</u> FN <u>A</u> WAS	H <u>G</u> LTL-GT	168
Sc	132	-TQT <u>F</u> EQF <u>W</u> S	<u>V</u> RNPKKAPGG	SIS---GT <u>V</u> D	VQCHFD <u>A</u> WK <u>G</u>	L <u>G</u> M <u>N</u> L <u>G</u> SE	175
An	124	-TST <u>F</u> TQY <u>F</u> S	<u>V</u> RESTRTS--	-----GT <u>V</u> T	VAN <u>H</u> FN <u>F</u> WAQ	H <u>G</u> FGN-SD	162
At	125	-TST <u>F</u> TQY <u>F</u> S	<u>V</u> RESTRTS--	-----GT <u>V</u> T	VAN <u>H</u> FN <u>F</u> WAH	H <u>G</u> FNH-SD	163
Tr1	118	-TAT <u>F</u> NQY <u>I</u> S	<u>V</u> RNSPR-T-S	-----GT <u>V</u> T	VQNH <u>F</u> N- <u>W</u> AS	L <u>G</u> LHLGQM	155
Ss	128	-PAA <u>F</u> DQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQSKVT--S	-----GT <u>I</u> T	TGN <u>H</u> FD <u>A</u> WAR	A <u>G</u> M <u>N</u> M <u>G</u> NF	168
SlB	130	TR-T <u>F</u> DQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQSKR-TG-	-----GT <u>I</u> T	TGN <u>H</u> FD <u>A</u> WAR	A <u>G</u> M <u>P</u> L <u>G</u> NF	168
SlC	128	TK-T <u>F</u> QQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQSKVTSGS	-----GT <u>I</u> T	TGN <u>H</u> FD <u>A</u> WAR	A <u>G</u> M <u>N</u> M <u>G</u> QF	168
Tf	128	TR-T <u>F</u> DQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQSKRTS--	-----GT <u>I</u> T	AGN <u>H</u> FD <u>A</u> WAR	H <u>G</u> MHLGTH	166
Bc	121	DRTT <u>F</u> TQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQSKRPTGS	N-----AT <u>I</u> T	FTNH <u>V</u> NA <u>W</u> KS	H <u>G</u> M <u>N</u> L <u>G</u> SN	163
Bs	121	DRTT <u>F</u> TQY <u>W</u> S	<u>V</u> RQSKRPTGS	N-----AT <u>I</u> T	FSNH <u>V</u> NA <u>W</u> KS	H <u>G</u> M <u>N</u> L <u>G</u> SN	163

FIGURE 1 CONT'D

Bp	175	MYETAFTVEG	YQSSGSANVM	TNQLFIGN	201	SEQ ID NO:4
Ca	207	MHETAFNIEG	YQSSGKADVN	SMSINIGK	233	SEQ ID NO:6
Cs	178	MYEVALTVEG	YQSSGYANVY	KNEIRIGANP....		SEQ ID NO:7
Rf	188	LYEVSLNIEG	YRSNGSANVK	SVSV	211	SEQ ID NO:8
Tr2	169	MDYQIVAVEG	YFSSGSASI-	TVS	190	SEQ ID NO:16
Tv	169	MDYQIVAVEG	YFSSGSASI-	TVS	190	SEQ ID NO:17
Th	169	MDYQIVAVEG	YFSSGSASI-	TVS	190	SEQ ID NO:14
Sc	176	HNYQIVATEG	YQSSGTATI-	TVT	197	SEQ ID NO:9
An	163	FNYQVMAVEA	WSGAGSASV-	TISS	184	SEQ ID NO:1
At	164	FNYQVVAVEA	WSGAGSAAV-	TISS	185	SEQ ID NO:2
Tr1	157	MNYQVVAVEG	WGGSGSASQ-	SVSN	178	SEQ ID NO:15
Ss	167	RYYMINATEG	YQSSGSSTI-	TVSG	189	SEQ ID NO:12
SlB	169	SYYMINATEG	YQSSGTSSI-	NVGG.....		SEQ ID NO:10
SlC	169	RYYMINATEG	YQSSGSSNI-	TVSG	191	SEQ ID NO:11
Tf	167	D-YMIMATEG	YQSSGSSNVT	LGTS.....		SEQ ID NO:13
Bc	164	WAYQVMATEG	YQSSGSSNV-	TVW	185	SEQ ID NO:3
Bs	164	WAYQVMATEG	YQSSGSSNV-	TVW	185	SEQ ID NO:5

FIGURE 1 CONT'D